

consensus 401 CAGctTTtgaaTatgTtGGAGAAaAtATCTGGttaGGtgGaaTaaagtCA

RTVP-1 448 TTTTTTCTGTGTCTTCCGCCATCACAACTGGTATGACGAAATCCAGGAC
 RGL α 349 TTCACACCAAGACAT--GCCATTACGGCTTGGTATAATGAAACCCAATTT
 RGL β 349 TTCACACCAAGACAT--GCCATTACGGCTTGGTATAATGAAACCCAATTT
 consensus 451 TTcacaCcaaGaCaT GCCATtACggctTGGTATaAtGAAacCCAattt

RTVP-1 498 TATGACTTCAAGACTCGGATATGCAAAAAAGTCTGTGGCCACTACACTCA
 RGL α 397 TATGATTTTGATAGTCTATCATGCTCCAGAGTCTGTGGCCATTATACACA
 RGL β 397 TATGATTTTGATAGTCTATCATGCTCCAGAGTCTGTGGCCATTATACACA
 consensus 501 TATGAtTTtgAtAgTcTatcATGctccAgAGTCTGTGGCCatTatACaCA

RTVP-1 548 GGTtGTTTGGGCAGATAGTTACAAAGTTGGCTGCGCAGTTCAATTTTGCC
 RGL α 447 GTTAGTTTGGGCCAATTCATTTTATGTCGGTTGTGCAGTTGCAATGTGTC
 RGL β 447 GTTAGTTTGGGCCAATTCATTTTATGTCGGTTGTGCAGTTGCAATGTGTC
 consensus 551 GtTaGTTTGGGCcaAttcAtttAtGtcGGtTgtGCAGTTgcAaTgtGtC

RTVP-1 598 CTAAAGTTTCTGGCTTTGACGCTCTTTCCAATGGAGCACATTTTATATGC
 RGL α 497 CTAA-----CCTTGGGGGAGCTTCAACTGCAATA---TTTGTATGC
 RGL β 497 CTAA-----CCTTGGGGGAGCTTCAACTGCAATA---TTTGTATGC
 consensus 601 CTAA CcTTGggGgagcTTCaAcTGcAatA TTTgTATGC

RTVP-1 648 AACTACGGACCAGGAGGGAATTACCCAACCTGGCCATATAA---GAGAGG
 RGL α 535 AACTACGGACCTGCAGGAAATTTTGCAAATATGCCTCCTTACGTAAGAGG
 RGL β 535 AACTACGGACCTGCAGGAAATTTTGCAAATATGCCTCCTTACGTAAGAGG
 consensus 651 AACTACGGACcTgcAGGaaATTTtgCAaATatGCctccTtAcgtaAGAGG

RTVP-1 695 AGCCACCTGCAGTGCCTGCCCCAATAATGACAAGTGTtTGGACAATCTCT
 RGL α 585 AGAATCTTGCTCTCTCTGCTCAAAAGAAGAGAAATGTGTAAAGAACCTCT
 RGL β 585 AGAATCTTGCTCTCTCTGCTCAAAAGAAGAGAAATGTGTAAAGAACCTCT
 consensus 701 AGaatCtTGctcTctCTGctCaAAagAaGAgAAaTGTgTaaAgAAcCTCT

RTVP-1 745 GTGTTAACCgACAGCGAGACCAAGTGAAACGTTACTACTCTGTTGTATAT
 RGL α 635 GCA-----AAAATCCATTTCTGAAG
 RGL β 635 GCAGGACTCCACAACCTATTATACCTAACC---AAAATCCATTTCTGAAG
 consensus 751 Gca a c acagc g a aa c AaaAtcCatTTcTgaAg

RTVP-1 795 CCAGGCTGGCCCATATATCCACGTAACAGATACACTTCTCTCTTCTCAT
 RGL α 655 CCAACGGGG-----AGAGCACCTCAGCAGACAGCCTTTAATCCAT-TCAG
 RGL β 682 CCAACGGGG-----AGAGCACCTCAGCAGACAGCCTTTAATCCAT-TCAG
 consensus 801 CCAacggGG AgAgCacCtcAgCAGAcAgcCTTtaaTCcaT TCAG

RTVP-1 845 TGTTAATTCAGTAATTCTAATACTGTCTGTTATAATTACCATTTTGGTAC
 RGL α 699 CTTAGGTTTCTTCTTCTGAGAAT--CTTTTAATGT---CATTTATATAC
 RGL β 726 CTTAGGTTTCTTCTTCTGAGAAT--CTTTTAATGT---CATTTATATAC
 consensus 851 ctTaggTTtctTctTCTgAgAaT CTtTTAatgT CATTTataTAC

RTVP-1 895 AGCTCAAGTACCCTAATTTAGTTCTTTTGGACTAATACAATTCAGGAA-A
 RGL α 744 AAAAGAAATTCTCAAATGT-----TAAATAAAGGAATA

RGL β 771 AAAAGAAATTCTCAAATGT-----TAAAATAAAGGAATA
consensus 901 AaaagAAaTtCtCaAATgT TAAaATaaAGGAaTA

RTVP-1 944 GAAAAAACCCAAAAACCAACCTCATTACATATGGCTTTTTT--TTAACC
RGL α 778 GTTTATTGCTTAATATAA--CTTATCATCACTTTGCTTCTTTACTGAATC
RGL β 805 GTTTATTGCTTAATATAA--CTTATCATCACTTTGCTTCTTTACTGAATC
consensus 951 GtttAttgCttAAAtAtaA CTtATcatCActTtGCTTcTTTAcTgAAtC

RTVP-1 992 AATAACAATTAGGTGTACTTCTATTTTAAAACATTTTCAGAAAAAATA

RGL α 826 TTCTACACTCTTGC---CTGATACCTAAA----- (SEQ ID NO: 1)

RGL β 853 TTCTACACTCTTGC---CTGATACCTAA----- (SEQ ID NO: 3)

consensus1001 ttctACAcTcttGc CTgaTAccTaAA